



Bruker **Española**, S.A.

Departamento Espectrometría de Masas
Tel.: +34 91 499 40 80

Ya está disponible la nueva versión del **ProteinScape 3.0.**, que incorpora las siguientes características:

Esta nueva versión sigue soportando todos los flujos de trabajo de LC-ESI y/o LC-MALDI, manteniendo las funciones ya incluidas en versiones anteriores, como la correlación de los picos cromatográficos visualizados en los cromatogramas con las listas de picos y las proteínas identificadas, y la cuantificación con diferentes marcajes como ICPL, SILAC, ICAT, iTRAQ.

Introduce además nuevos aspectos como:

- El análisis de glicanos y glicopéptidos, incluyendo el motor de búsqueda GlycoQuest
- Mejora de los flujos de trabajo en cuantificación, incluyendo la cuantificación sin marcaje.
- Contiene herramientas para la validación de los resultados de cuantificación.
- Amplia los informes de identificación de proteínas y glicanos.

Si desea mayor información acerca de esta versión, por favor seleccione el siguiente enlace:

[Software Protein Scape 3.0.](#)

Si tiene alguna cuestión no dude en ponerse en contacto con nosotros:

Bruker **Española S.A.**
Dpto. de Ventas **Bruker Life Science**

C/ Marie Curie, 5; planta baja
Parque Empresarial Rivas Futura
28521 Rivas-Vaciamadrid (Madrid)
Tel: +34 91 499 40 80
Fax: +34 91 656 62 37
bruker.lsc@bruker.es